

				
	NextSeq série	HiSeq série	HiSeq X série	NovaSeq série
Aplikace a metody	Hlavní aplikace 	Hlavní aplikace 	Hlavní aplikace 	Hlavní aplikace 
Sekvenování celých genomů (člověk, rostlina, zvíře)				
Sekvenování malých genomů (mikrob, vir)				
Exomové sekvenování				
Cílené sekvenování genů (amplikon, gen)				
Sekvenování celých transkriptomů				
Profilování genové exprese s mRNA -Seq				
Analýza miRNA a Small RNA				
Analýza interakce DNA-Protein				
Methylační sekvenování				
Shotgun metagenomika				
Délka sekvence	12-30 hodin	1-3,5 dne (HiSeq 3000/4000) 7 hodin-6 dní (HiSeq 2500)	< 3 dny	19-40 hodin
Max. výstupních dat	120 Gb	1500 Gb	1800 Gb	6000 Gb
Max. čtení na běh	400 miliónů	5 biliónů	6 biliónů	20 biliónů
Max. délka čtení	2 x 150 bp	2 x 150 bp	2 x 150 bp	2 x 150 bp